

GFP_AEQVI (codon optimized) (714 bp)

HinfI
FfiI
FokI
BsrBI
BcgI

ATGAGCAAAGGCGAAGAAGTGTACCGGCGTGGTGCCGATTCTGGTGGAACTGGATGGCGATGTGAACGGCCATAAATTTAGCGTGAGCGGCGAAGGCGAAGGCGA
TACTCGTTTTCCGCTTCTTGACAAATGGCCGCACCACGGCTAAGACCACCTTGACCTACCCTACACTTGCCGGTATTTAAATCGCACTCGCCGCTTCCGCTTCCGCT

10 20 30 40 50 60 70 80 90 100

BtsI
TspRI
BtsII
BtsIMutI
BstEII

TGCGACCTATGGCAAAGTACCTGAAATTTATTTGACACCACGGCAAAGTGGCGGTGGCCGACCCTGGTGACCACCTTGTAGCTATGGCGTGCAGTGCCTTTA
ACGCTGGATACCGTTTGGACTGGGACTTTAAATAAACGTGGTGGCCGTTTACGCGCCACGGCACCGGCTGGGACCACTGGTGAAATCGATACCGCACGTCACGAAAT

110 120 130 140 150 160 170 180 190 200 210

Hpy188III
BspEI
BsaWI

GCCGCTATCCGGATCATATGAAACAGCATGATTTTTTTAAAGCGCGATGCCGGAAGGCTATGTGCAGGAACGCACCATTTTTTTTAAAGATGATGGCAACTATAAA
CGGCGATAGGCTAGTATACTTTGTCGTAATAAAAAATTTTCGCGCTACGGCCTTCCGATACACGTCCTTGCGTGGTAAAAAAATTTCTACTACCGTTGATATTT

220 230 240 250 260 270 280 290 300 310 320

BaeI

ACCCGCGCGAAGTGAATTTGAAGGCGATACCCTGGTGAACCGCATTGAACTGAAAGGCATTGATTTTAAAGAAGATGGCAACATTCTGGGCCATAAACTGGAATA
TGGGCGCGCCTTCACTTTAACTTCCGCTATGGGACCACTTGGCGTAACTTGACTTTCCGTAATAAAATTTCTTCTACCGTTGAAGACCGGTATTTGACCTTAT

330 340 350 360 370 380 390 400 410 420

HpyCH4IV
AflIII
MslI
PvuII

TAACTATAACAGCCATAACGTGTATATTATGGCGGATAAACAGAAAAACGGCATTAAAGTGAACCTTTAAATTCGCCATAACATTGAAGATGGCAGCGTGCAGCTGG
ATTGATATTGCGGTATTGCACATATAATACCGCTATTTGCTTTTTGCCGTAATTTCACTTGAATTTTAAAGCGGTATTGTAACCTTCTACCGTCGCACGTCGACC

430 440 450 460 470 480 490 500 510 520 530

BsaBI
NciI
BssHII
Bsp1286I
BsiHKAI
BlnI
BstYI

CGGATCATTATCAGCAGAACACCCCGATTGGCGATGGCCCGGTGCTGCTGCCGATAACCATTATCTGAGCACCCAGAGCGCGCTGAGCAAAGATCCGAACGAAAAA
GCCTAGTAATAGTCGCTTGTGGGGCTAACCGCTACCGGGCCACGACGACGGCCTATTGGTAATAGACTCGTGGGTCTCGCGGACTCGTTTCTAGGCTTGTCTTTT

540 550 560 570 580 590 600 610 620 630 640

